Lunes 4	Martes 5	Miércoles 6	Jueves 7	Viernes 8
Bienvenida (30min) Keynote: Phyllotaxis at the era of molecular and computational biology: The revival of an old enigma Christophe Godin	Reconstrucción de historias evolutivas de genes con teoría de gráficas Maribel Hernández Rosales	Reconstrucción de historias evolutivas de genes con teoría de gráficas Maribel Hernández Rosales	Una visión multiescala de genómica comparada: de los metagenomas a los genes Nelly Sélem Mojica	Una visión multiescala de genómica comparada: de los metagenomas a los genes Nelly Sélem Mojica
Break	Break	Break	Break	Break
Sistemas complejos y biomatemáticas Yuriria Cortés Poza	Sistemas complejos y biomatemáticas Yuriria Cortés Poza	Identificabilidad y Ajuste de Parámetros con Python Esteban Hernandez Vargas	Identificabilidad y Ajuste de Parámetros con Python Esteban Hernandez Vargas	Panel: Biología matemática post pandemia
Comida	Comida	Comida	Comida	
Mara Denisse Rueda Contrera. Patrones: Filotaxia y patrones de Turing	María Rebolleda- Gómez. Ecología: ¿Podemos predecir los cambios en comunidades microbianas? Una mirada desde las redes metabólicas	Alejandra Donají Herrera Reyes. Identificando observaciones únicas en imágenes microscópicas de superresolución dSTORM mediante un modelo espacio- temporal.	Elisa Domínguez Hüttinger. Enfermedades: Modelación matemática de las interacciones dinámicas fenotipo- microambiente	
Aldo Ledesma Durán. Patrones: Método de multiescalas para estudiar sistemas cerca de la bifurcación de Turing y Hopf	Marco Tulio Angulo Ballesteros. Ecología: Agujeros de coexistencia: obstrucciones fundamentales en el ensamblaje de comunidades ecológicas.	Natsuko Rivera Yoshida. El camino hacia la multicelularidad: el papel del medio ambiente en la microescala	Kasia Oktaba. Genoma: Topología del genoma en Drosophila	
Break	Break	Break	Break	
Mónica García Gómez. Patrones: Modelos sistémicos y dinámicos del tamaño de los nichos de células troncales: la raíz de Arabidopsis como modelo	Max Aldana. El papel del microbioma en la evolución de organismos superiores	Sirio Orozco Fuentes. Diferenciación: A mathematical modelling framework for the regulation of intra-cellular OCT4 in human pluripotent stem cells	Iván Santamaría Holek. Genoma: Termodinámica irreversible de sistemas biológicos pequeños	
	Bienvenida (30min) Keynote: Phyllotaxis at the era of molecular and computational biology: The revival of an old enigma Christophe Godin Break Sistemas complejos y biomatemáticas Yuriria Cortés Poza Comida Mara Denisse Rueda Contrera. Patrones: Filotaxia y patrones de Turing Aldo Ledesma Durán. Patrones: Método de multiescalas para estudiar sistemas cerca de la bifurcación de Turing y Hopf Break Mónica García Gómez. Patrones: Modelos sistémicos y dinámicos del tamaño de los nichos de células troncales: la raíz de Arabidopsis	Bienvenida (30min) Keynote: Phyllotaxis at the era of molecular and computational biology: The revival of an old enigma — Christophe Godin Break Sistemas complejos y biomatemáticas — Yuriria Cortés Poza Comida Sistemas complejos y biomatemáticas — Yuriria Cortés Poza Comida María Rebolleda- Gómez. Ecología: ¿Podemos predecir los cambios en comunidades microbianas? Una mirada desde las redes metabólicas Marco Tulio Angulo Ballesteros. Ecología: Agujeros de coexistencia: obstrucciones fundamentales en el ensamblaje de comunidades ecológicas. Break Mónica García Gómez. Patrones: Modelos sistémicos y dinámicos del tamaño de los nichos de células troncales: la raíz de Arabidopsis Reconstrucción de historias evolutivas de genes con teoría de gráficas — Maribel Hernández Rosales Reconstrucción de historias evolutivas de genes con teoría de gráficas — Maribel Hernández Rosales Reconstrucción de historias evolutivas de genes con teoría de gráficas — Maribel Hernández Rosales Reconstrucción de práficas — Maribel Hernández Posales Reconstrucción de práficas — Maribel Hernández Posales Reconstrucción de práficas — Maribel Hernánd	Bienvenida (30min) Keynote: Phyllotaxis at the era of molecular and computational biology: The revival of an old enigma — Christophe Godin Break Identificabilidad y Ajuste de Parámetros con Python — Esteban Hernandez Vargas Comida Comida Comida Alejandra Donají Herrera Reyes. Identificando observaciones únicas en imágenes microscópicas de superresolución dSTORM mediante un modelo espacio- temporal. Marco Tulio Angulo Ballesteros. Ecología: Agujeros de coexistencia: obstrucciones fundamentales en el ensamblaje de comunidades cerca de la bifurcación de Turing y Hopf Break Brea	Bienvenida (30min) Keynote: Phyllotaxis at the era of molecular and computational biology: The revival of an old enigma — Christophe Godin Break Bre